



教师姓名： 陈煜

出生年月： 1980.10

职称： 副教授

籍贯： 湖北仙桃

研究方向： 草类植物抗逆分子生物学

讲授课程：《草坪学》、《草坪工程技术》

学术兼职：

办公房间： 理科南楼 F316

办公电话： 84399712

E-mail: cyu801027@njau.edu.cn

学习经历

2007.09-2012.06, 南京农业大学, 观赏园艺专业, 农学博士学位

2003.09-2006.07, 南京农业大学, 草业科学专业, 农学硕士学位

1999.09-2003.07, 长江大学, 风景园林专业, 农学学士学位

工作经历

2016.12-至今, 南京农业大学草业学院, 副教授

2015.06-2016.11, 南京农业大学草业学院, 讲师

2013.06-2015.05, 南京农业大学草业学院, 博士后

2012.07-2013.05, 江苏省中科院植物研究所, 助理研究员

2006.08-2007.08, 扬州高尔夫球场, 工作

荣誉及称号

1、2013-2014 年度，陈裕光奖学金，排名第一，南京农业大学

研究项目

- 1、PvHSFA4a 蛋白乙酰化修饰调控海滨雀稗耐镉的作用机制，2019/01-2022/12，国家自然科学基金面上项目 (31872953)，主持，72 万
- 2、热激转录因子 PvHSFA4a 调控海滨雀稗耐镉的分子机制，2017/01-2020/12，国家自然科学基金面上项目 (31672193)，主持，72 万
- 3、基于 FOX 捕捉系统挖掘盐生植物—沟叶结缕草抗盐基因的研究，2014/01-2016/12，国家自然科学基金青年项目 (31301806)，主持，25 万
- 4、海滨雀稗 PvHSFA4a 蛋白亚硝基化修饰调控耐镉的分子机制，2018/01-2019/12，中国博士后基金特别资助 (2018T110518)，主持，15 万
- 5、海滨雀稗 SnRK2 家族 I 类蛋白调控耐镉的互作靶因子筛选，2017/01-2019/12，中国博士后基金面上项目 (2017M611842)，主持，5 万
- 6、海滨雀稗耐镉基因的挖掘与表达分析，2014/01-2015/05，中国博士后基金面上项目 (2014M551612)，主持，5 万
- 7、基于酵母体系挖掘海滨雀稗抗盐基因的研究，2013/12-2015/05，江苏省博士后基金项目 (1302018B)，主持，4 万
- 8、沟叶结缕草 FOX 捕捉系统的构建及抗盐基因的筛选，2013/07-2016/06，江苏省自然科学基金青年项目 (BK20130732)，主

持, 20万

9、SnRK2 家族 I 类成员负调控海滨雀稗耐镉的分子互作机制, 2017/01-2019/12, 中央高校基本科研业务费自主创新重点项目 (KYZ201755), 主持, 15万

10、沟叶结缕草抗盐离子调控基因的挖掘与表达分析, 2013/01-2014/12, 江苏省盐土生物资源研究重点实验室开放基金 (JKLBS2012007), 主持, 8万

学术论文

1、Liu Y, Liu J, Xu L, Lai H, **Chen Y***(通讯作者), Yang Z, Huang B (2017) Identification and Validation of Reference Genes for Seashore Paspalum Response to Abiotic Stresses. International Journal of Molecular Science 18: 1322. 影响因子: 3.687

2、**Chen Y**, Chen C, Tan Z, Liu J, Zhuang L, Yang Z, Huang B (2016) Functional Identification and Characterization of Genes Cloned from Halophyte Seashore Paspalum Conferring Salinity and Cadmium Tolerance. Frontiers in Plant Science 7: 102. 影响因子: 4.298

3、**Chen Y**, Zong J, Tan Z, Li L, Hu B, Chen C, Chen J, Liu J (2015) Systematic mining of salt-tolerant genes in halophyte-Zoysia matrella through cDNA expression library screening. Plant Physiology and Biochemistry 89: 44-52. 影响因子: 2.928

4、**Chen Y**, Tan Z, Hu B, Yang Z, Xu B, Zhuang L, Huang B (2015) Selection and validation of reference genes for target gene analysis with quantitative RT-PCR in leaves and roots of bermudagrass

under four different abiotic stresses. *Physiologia Plantarum* 155: 138–148. 影响因子: 3.52

5、 **Chen Y**, Li L, Zong J, Chen J, Guo H, Guo A, Liu J (2015) Heterologous expression of the halophyte *Zoysia matrella* H⁺-pyrophosphatase gene improved salt tolerance in *Arabidopsis thaliana*. *Plant Physiology and Biochemistry* 91: 49-55. 影响因子: 2.928

6、 **Chen Y**, Hu B, Tan Z, Liu J, Yang Z, Li Z, Huang B (2015) Selection of reference genes for quantitative real-time PCR normalization in creeping bentgrass involved in four abiotic stresses. *Plant Cell Reports* 34:1825–1834. 影响因子: 3.088

7、 **Chen Y**, Jiang J, Chang Q, Gu C, Song A, Chen S, Dong B, Chen F (2014) Cold acclimation induces freezing tolerance via antioxidative enzymes, proline metabolism and gene expression changes in two chrysanthemum species. *Molecular Biology Reports* 41: 815-822. 影响因子: 1.698

8、 **Chen Y**, Jiang J, Song A, Chen S, Shan H, Luo H, Gu C, Sun J, Zhu L, Fang W, Chen F (2013) Ambient temperature enhanced freezing tolerance of *Chrysanthemum dichrum* CdICE1 *Arabidopsis* via miR398. *BMC Biology* 11: 121. 影响因子: 6.967

9、 **Chen Y**, Chen S, Chen F, Li P, Chen L, Guan Z, Chang Q (2012) Functional Characterization of a *Chrysanthemum dichrum* Stress-Related Promoter. *Molecular Biotechnology* 52: 161-169. 影响因子: 1.752

10、 Yang Z, **Chen Y** (Co-first author) , Hu B, Tan Z, Huang B (2015) Identification and Validation of Reference Genes for Quantification of Target Gene Expression with Quantitative Real-time PCR for Tall Fescue under Four Abiotic Stresses. PLoS ONE 10: e0119569. 影响因子: 3.057

11、 Xia S, **Chen Y** (Co-first author) , Jiang J, Chen S, Guan Z, Fang W, Chen F (2013) Expression profile analysis of genes involved in horizontal gravitropism bending growth in the creeping shoots of ground-cover chrysanthemum by suppression subtractive hybridization. Molecular Biology Reports 40: 237-246. 影响因子: 1.698

12、 Chen L, **Chen Y** (Co-first author) , Jiang J, Chen S, Chen F, Guan Z, Fang W (2012) The constitutive expression of Chrysanthemum dichrum ICE1 in Chrysanthemum grandiflorum improves the level of low temperature, salinity and drought tolerance. Plant Cell Reports 31: 1747-1758. 影响因子: 3.088